

El Servicio de Secuenciación y Genómica Funcional, integrado dentro de la oferta de Servicios Científico-Técnicos del Centro de Investigación Biomédica de Aragón (CIBA), iniciativa conjunta de la Universidad de Zaragoza y el Instituto Aragonés de Ciencias de la Salud, ofrece a la comunidad científica y empresarial la tecnología e infraestructura necesarias para el estudio del contenido, funcionamiento, origen y evolución de los genomas, definiéndose éstos como la totalidad de la información genética que posee un organismo.

Los servicios de análisis de ácidos nucleicos disponibles van dirigidos especialmente a las investigaciones en el campo de las ciencias biomédicas, veterinarias y agrarias, realizando un tratamiento integral de las muestras al prestar asesoramiento técnico, establecer los protocolos de actuación para cada caso, manejar las técnicas de análisis y analizar los datos obtenidos cuando así se requiere.

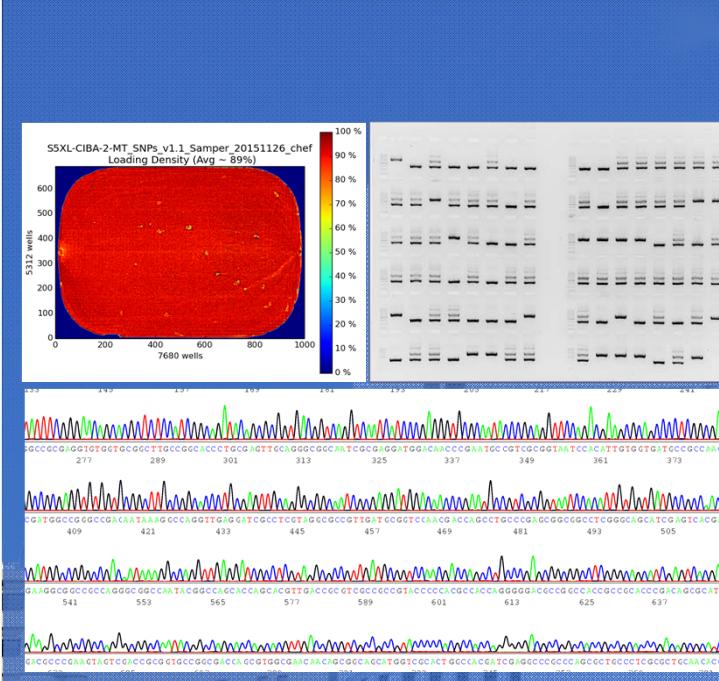
Personal Técnico

Pilar Mozas Alonso, PhD
Técnico Superior
pmozas@unizar.es
976 762 536

Irene Santos Varela
Técnico de Laboratorio
icsantos.iacs@aragon.es
976 714 204

Mark Strunk
Técnico Medio
mhpstrunk.iacs@aragon.es
976 714 091

María José Pueyo Gracia
Técnico Especialista
mjpuoyo@unizar.es
876 553 541



Contacto

Servicio de Secuenciación y Genómica Funcional

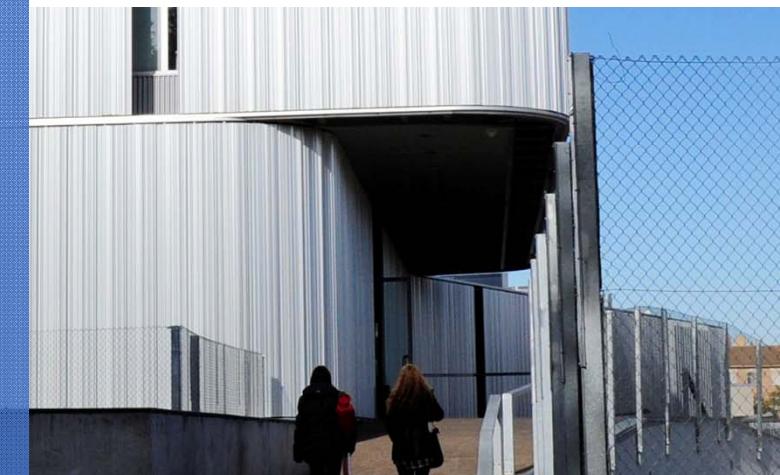
Centro de Investigación Biomédica de Aragón (CIBA)

San Juan Bosco 13 · 50.009 Zaragoza

976762536 II 976714091

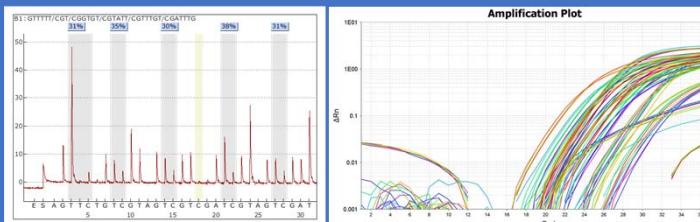
adnsec@unizar.es II ug.iacs@aragon.es

Solicitud de servicio <http://sct.iacs.aragon.es/>



Cartera de servicios

- ✓ Extracción Manual y Automática de DNA y RNA
- ✓ Cuantificación y Análisis de Integridad de ácidos nucleicos
- ✓ Diseño de oligonucleótidos
- ✓ Amplificación de DNA mediante PCR
- ✓ PCR a tiempo real (Expresión Génica, Discriminación Alélica...)
- ✓ Secuenciación capilar de DNA
- ✓ Secuenciación masiva:
 - Resecuenciación selectiva (Tecnología Ampliseq)
 - Secuenciación de novo de genoma pequeño
 - Secuenciación de Transcriptoma dirigido
 - Secuenciación de Transcriptoma completo
 - Secuenciación de Exoma
 - Metagenómica (Secuenciación de RNAr 16S)
 - Secuenciación de DNA modificado con bisulfito
 - Secuenciación CHIP-Seq
- ✓ Genotipado
- ✓ Análisis de SNPs
- ✓ Pirosecuenciación
- ✓ Genotipado de ratones
- ✓ Autentificación de líneas celulares



Equipamiento

- ✓ Plataforma de Secuenciación Masiva Ion Torrent (Life Technologies) :
 - Ion PGM
 - Ion S5XL
 - Ion One Touch 2
 - Ion Chef
 - Ion Reporter
- ✓ Secuenciador de DNA 3500XL Genetic Analyzer (Applied Biosystems)
- ✓ Pirosecuenciador PSQ 96MA (Biotage)
- ✓ Sistema de PCR a Tiempo Real ViiA7 (Applied Biosystems)
- ✓ Termocicladores Veriti (Applied Biosystems)
- ✓ Termociclador en gradiente iCycler (Bio-Rad)
- ✓ Extractor de DNA AutoGenFlex 3000 (Autogen)
- ✓ Extractor de DNA KingFisher Duo Prime (Thermo Fisher Scientific)
- ✓ Plataforma de dispensación de líquidos Freedom EVO 100 (Tecan)
- ✓ Fluorímetro Qubit 3.0 (Life Technologies)
- ✓ Espectrofotómetro Nanodrop-1000 (Thermofisher)
- ✓ Sistema de Electroforesis Automática Experion (Bio-Rad)
- ✓ Sistema Analizador de ácidos nucleicos TapeStation 2200 (Agilent)

